

1  
101 GTAACTATA ATGCEAAGTT TTAATAAAGT AGGGTGTAAC CGAAGCGGT TCAACCGAAA ACGGTGCGATA  
201 GCACGACTAT GTTTCAGAC ACTGAGGAAA AACCCGGAAC ATTGCATCAT TTGTCCEAAG CATGTGCGAC  
301 GGAATGCAAA AAALCTTGG AACCATGTGA GGTATATGAT TTGCAITIG CAGATTAAAC AGTTGATAT  
401 CTGTGTTGC GTTCTTATC TAAATTAAT TAAATTAAT TAAATTAAT TAAATTAAT TAAATTAAT TAAATTAAT  
501 AATATTAAT TAAATTAAT TAAATTAAT TAAATTAAT TAAATTAAT TAAATTAAT TAAATTAAT TAAATTAAT  
601 TGGGCGGG CGGTGTCGG AGGTGTCGG AGGTGTCGG AGGTGTCGG AGGTGTCGG AGGTGTCGG AGGTGTCGG  
701 AATATGTTT AATATGTTT AATATGTTT AATATGTTT AATATGTTT AATATGTTT AATATGTTT AATATGTTT  
801 ACAAACAAA CCAACCAAC CCAACCAAC CCAACCAAC CCAACCAAC CCAACCAAC CCAACCAAC CCAACCAAC  
901 CCAACCAAC CCAACCAAC CCAACCAAC CCAACCAAC CCAACCAAC CCAACCAAC CCAACCAAC CCAACCAAC  
1001 ATGGGCTGG CATGGGCTG ACTGGGCTG ACTGGGCTG ACTGGGCTG ACTGGGCTG ACTGGGCTG ACTGGGCTG  
1101 TGACAGTGGC ACGCATTTAC TAGCATTTAC TAGCATTTAC TAGCATTTAC TAGCATTTAC TAGCATTTAC TAGCATTTAC  
1201 GGGGAGGATG ATTAAATGC TTGCTGTCG CTAACACGAA AGTTGCTCC ATGTTCCAA AGTTGCTCC AGTTGCTCC  
1301 GTACACGTC TATTAATAAA AATAAGAAAT AATAAGAAAT AATAAGAAAT AATAAGAAAT AATAAGAAAT AATAAGAAAT  
1401 GCAGATGTA CAACAGGTAG AAGTCAAAA AAGTCAAAA AAGTCAAAA AAGTCAAAA AAGTCAAAA AAGTCAAAA  
1501 AATGTAGATA GCTGTCAAAA GTTACGTTG CAGGAAATTA GTAAATGTT ACTAGTAGT AATAAGAAAT AATAAGAAAT  
1601 ATGCAATAG TTTTTCGAA TTAGTAAGAC CATTAAGAG TGAATAAGAG ACTGCTACAG ATTGCTGAT AATGTTTAA  
1701 AGCAAGTTTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
1801 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
1901 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
2001 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
2101 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
2201 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
2301 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
2401 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
2501 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
2601 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
2701 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
2801 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
2901 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
3001 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
3101 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
3201 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
3301 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
3401 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
3501 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA  
3601 AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA AAGGTATTA

FIG.1A



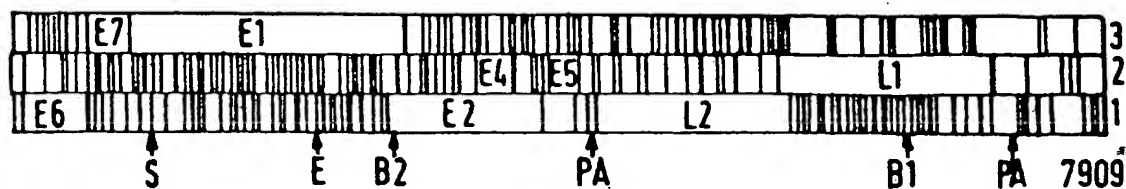


FIG.2

7500

-----Z----- 78-1

TAACCGT T TCGGT TACT TGGCATA CATA CCCTA TGACAT TGGCAGAACAGT TAATCCTT

-----Z----- 78-2

TTCTTTCTGCACTGTGTTTGCTGTGACTTGCTGCATTGGCATA CATA CCCTATGACATT

GGCAGAACAGT TAATCCTTTTCTTTCTGCACTGTGTTTGCTGTGACTTGCTGCATTGAC

TCATA TATACATGCAGTGCAAT TGCAAAATACT TAAT TGTAATAATAGTTACACA TCCT

TTTAGGCACATATTTTACTTTACTTTCAAACCTTAAGTGCAGTTTGGCTTACACAATT

GCTTTGTATGCCAAACTATGCCTTGTA AAAAGTGAGTCACTACCTGTTATTACCAGGTGT

GGACTAACCGTTTTAGGTCATATTGGTCATT TATAATCTTTATATAATAGTAAACTATA

ATGCCAAGTTTTAAAAAGTAGGGTGTAACCGAAAGCGGTTCAACCGAAAACGGTGCA TA

TATAAAGCAAACATTTTGCAGTAAAGTACTGCACGACTATGTTT

\*\*\*

E6.....MetPhe

FIG.3